

**Certificat d'Analyse(s)**

<b>Propriétaire :</b> REYBAUD Nadia	<b>REYBAUD Nadia</b>
<b>Elevage :</b>	41 Rue Jean François Miller
<b>Demandeur :</b> REYBAUD Nadia	
<b>Organisation :</b>	66000 PERPIGNAN
<b>Préleveur :</b> CHERAUD Philippe (16415)	
<b>Date de prélèvement :</b> 23/08/2016	<b>Date de réception :</b> 29/08/2016
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 30/12/2015	<b>Sexe :</b> Mâle

**Génotypage sanguin par ADN**

**Date d'exécution : 29/08/2016**

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC13125 Nom : LINK D EROS MAINE Puce : 250269802703006		nonb/nonb

*non-b/non-b: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - non-b/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

**Fait à Loudéac, le 31/08/2016**

Olivier Yvernogean

Responsable assurance qualité



*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Certificat d'Analyse(s)**

Propriétaire : REYBAUD Nadia

Elevage :

Demandeur : REYBAUD Nadia

Organisation :

Préleveur : CHERAUD Philippe (16415)

**REYBAUD Nadia**

41 Rue Jean François Miller

66000 PERPIGNAN

Date de prélèvement : 23/08/2016

Date de réception : 29/08/2016

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 30/12/2015

Sexe : Mâle

**Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)**

Date d'exécution : 29/08/2016

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC13125 Nom : LINK D EROS MAINE Puce : 250269802703006		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 31/08/2016

Olivier Yvernogean

Responsable assurance qualité



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Certificat d'Analyse(s)**

<b>Propriétaire :</b> REYBAUD Nadia	<b>REYBAUD Nadia</b>
<b>Elevage :</b>	41 Rue Jean François Miller
<b>Demandeur :</b> REYBAUD Nadia	66000 PERPIGNAN
<b>Organisation :</b>	
<b>Préleveur :</b> CHERAUD Philippe (16415)	
<b>Date de prélèvement :</b> 23/08/2016	<b>Date de réception :</b> 29/08/2016
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 30/12/2015	<b>Sexe :</b> Mâle

**Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)**

Date d'exécution : 29/08/2016

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC13125 Nom : LINK D EROS MAINE Puce : 250269802703006		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation " c.693+304G>A " présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 31/08/2016

Olivier Yvernogeu

Responsable assurance qualité



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Certificat d'Analyse(s)**

Propriétaire : REYBAUD Nadia

Elevage :

Demandeur : REYBAUD Nadia

Organisation :

Préleveur : CHERAUD Philippe (16415)

**REYBAUD Nadia**

41 Rue Jean François Miller

66000 PERPIGNAN

Date de prélèvement : 23/08/2016

Date de réception : 29/08/2016

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 30/12/2015

Sexe : Mâle

**Spinal Muscular Atrophy (SMA)**

Date d'exécution : 29/08/2016

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC13125 Nom : LINK D EROS MAINE Puce : 250269802703006		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation " 140kb del (exons 4-6) " présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint*

Fait à Loudéac, le 31/08/2016

Olivier Yvernogean

Responsable assurance qualité



*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.*

*La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*